

115大學繁星推薦放榜缺額922個「台大17、文大133」醫牙報名人數降

2026-03-18 09:31 聯合報／記者李芯／台北即時報導

+ 台大 ▾



115大學繁星推薦放榜，台大缺額17個。聯合報系資料照片

115學年度升大學繁星推薦今公告第一類至第七類學群錄取結果及第八類學群篩選結果。第一類至第七類學群錄取率為62.70%，較去年減少1.42%，亦是近5年最低；缺額總計922個，較去年減少224個。頂大方面，今年台灣大學、陽明交通大學、清華大學等校分別有17、13、4個缺額，缺額數最多的學校則是文化大學，共133個。

115學年度共有64所大學校院、1664個學系組參加大學繁星推薦招生，共提供1萬5554個招生名額。359所高中所推薦的14401名一般生，錄取率為62.70%；外加名額則錄取261名原住民生，錄取率為89.69%，較去年減少1.07%。

甄選委員會表示，第一類至第七類學群招生名額報名人數為2萬2967人，較去年增加650人；錄取人數1萬4401人，也較去年增加92人。參與招生校系中，1個校系有增額錄取情形，增額錄取1名。第一類至第七類學群招生缺額922個，以及後續放棄入學資格後之缺額，將回流至分發入學管道招生。

第八類學群醫、牙學系報名人數共計542人，較去年減少176人，經第一階段篩選後，通過醫學系第一階段篩選招生名額人數計有306人，通過牙醫學系第一階段篩選人數計有59人。

根據甄選委員會資料，今年度繁星推薦數所頂尖大學仍有缺額，其中台大總計17個缺額、陽明交大13個、清華大學4個、成功大學3個。另外，今年缺額最多的學校為文化大學，共133個缺額，其次為實踐大學77個、銘傳大學68個。

甄選委員會表示，18日上午9時起，考生可憑學測應試號碼、身分證號碼後4碼及個人密碼查詢分發比序錄取或篩選結果。甄選委員會並同時提供各推薦高中上網下載所屬推薦學生錄取及篩選結果；錄取生由各大學寄發錄取通知單、通過篩選考生亦由各大學寄發（或公告）指定項目甄試通知，甄選委員會不另行書面通知。

考生對錄取（或篩選）結果有疑義欲申請複查時，可依簡章規定於3月19日中午12時前，以網路申請方式向甄選委員會提出，申請程序請逕上甄選委員會網站查詢。

大學繁星推薦19校招滿 文化大學133個缺額最多

2026/3/18 10:03 (3/18 10:39 更新)



圖為文化大學校區。(中央社檔案照片)

(中央社記者許秩維台北18日電) 115學年大學繁星推薦第1至7類學群錄取結果今天公告，19校無缺額、1校增額錄取1名，總缺額922個，以文化大學133個缺額最多，頂大也有部分缺額，如台大17個缺額。

- 大學繁星推薦錄取率62.7% 922個缺額近4年新低
- 繁星推薦醫學系196名額 306人通過篩選拚2階

大學甄選入學委員會今天發布新聞稿指出，115學年大學繁星推薦管道有64校、1664個學系參加招生，提供1萬5554個名額；繁星推薦分為8類學群，第1類至第7類學群錄取結果今天公告。

115學年繁星推薦第1至7類學群共1萬5322個名額，2萬2967人報名，錄取1萬4401名，有1名增額錄取（陽明交通大學電機工程系甲組），錄取率62.7%；錄取率較高的前3名為第1類學群（文、法、商等）68.57%、第5類學群（美術）66.47%、第2類學群（理、工）62.3%。

觀察各校缺額情況，政治大學、中原大學、大同大學等19校無缺額；頂尖大學也有部分缺額，如台灣大學17個缺額、成功大學3個缺額、清華大學4個缺額、陽明交通大學13個缺額；缺額較多的學校包括中國文化大學133個、實踐大學77個、銘傳大學68個、靜宜大學58個。
(編輯：龍柏安) 1150318

大學繁星推薦錄取率62.70% 台大缺額17個

09:55 2026/03/18 | 中時 | 林繼明 | 心



115學年度大學繁星推薦招生今天放榜，第一類至第七類學群共計錄取1萬4401名一般生，錄取率為62.70%，較去年減少1.42%。（本報資料照）

115學年度大學繁星推薦招生今日公告第一類至第七類學群錄取暨第八類學群篩選結果，今年有64所大學1664個學系參加招生，共提供1萬5554個招生名額，第一類至第七類學群共計錄取1萬4401名一般生，錄取率為62.70%，較去年減少1.42%。另外，第一類至第七類學群招生缺額922個，較去年減少224個。

大學甄選入學委員會指出，第一類至第七類學群招生名額報名人數為2萬2967人，較去年2萬2317人，增加650人；錄取結果顯示，錄取人數1萬4401人，也較去年增加92人。參與招生校系中，國立陽明交通大學電機工程學系甲組（電資國際組）增額錄取1名。第一類至第七類學群招生缺額922個，以及後續放棄入學資格後缺額，將回流至分發入學管道招生。

缺額部分，中國文化大學缺額133個最多，其餘依序為實踐大學77個、銘傳大學68個、靜宜大學58個、大葉大學49個。公立頂尖大學也有缺額情形，台灣大學缺額17個、陽明交通大學13個、清華大學4個、成功大學3個。

第八類學群醫、牙學系報名人數共計542人，較去年718人，減少176人，經第一階段篩選後，通過醫學系第一階段篩選招生名額人數計有306人、通過牙醫學系第一階段篩選人數則計有59人。

甄選會表示，今日上午9時起，考生可憑學測應試號碼、身分證號碼後4碼及個人密碼查詢分發比序錄取或篩選結果。錄取生由各大學寄發錄取通知單、通過篩選考生亦由各大學寄發（或公告）指定項目甄試通知，甄選委員會不另行書面通知。考生對錄取（或篩選）結果有疑義欲申請複查時，可依簡章規定於3月19日中午12時前，以網路申請方式向甄選會提出。

年輕人上榜機會大！學者分析：30歲以前高考錄取率多一倍

2026/03/18 06:38 記者鍾麗華 / 台北報導



高考三級為例，首次到考的錄取機率最高，未滿30歲者第一次報考上榜率為35.7%，30歲以上者第一次考上機率僅18.4%，未滿30歲者上榜機率幾乎多一倍。（資料照，考選部提供）

高普考報考人數降低，但仍吸引青年學子投入。根據學者分析，以高考三級為例，首次到考的錄取率最高，未滿30歲者第一次報考上榜率為35.7%，30歲以上者第一次考上機率僅18.4%，未滿30歲者上榜機率幾乎多一倍。無論是「技術類科」或「行政類科」，國立大學學歷占也占一半以上。

台北大學公共行政暨政策學系助理教授林俞君與台北市立大學社會暨公共事務學系主任以「未滿30歲青年錄取者報考國家考試之歷程分析」，投稿在最新一期的「國家人力資源論壇」。

該研究為探究青年考生特質，以2024年度四大國家考試（高考三級、普通考試、地特三等、地特四等）錄取者為對象，該年度錄取者共7325人，其中未滿30歲者為4316人，占59%；30歲以上者為3009人，占41%，並進一步分析錄取者自2015年至2024年間的考試歷程。

根據分析，未滿30歲的錄取者開始投入國家考試為23歲，大約是大學畢業後一年，且一半的錄取者集中於22至24歲間，估計未滿30歲的錄取者多於大學畢業後旋即投入考試。未滿30歲錄取者平均報考次數為4.7次，到考4.1次；30歲以上錄取者平均報考10.6次，到考8.4次。

以高考三級為例，35.7%的錄取者第一次報考就上榜，30歲以上的錄取者第一次考上的機率僅18.4%。未滿30歲錄取者在普考上榜機率高點出現在第二次與第三次考試，其錄取機率同樣高於30歲以上的錄取者。整體來說，無論何種考試，未滿30歲錄取者早期上榜的機率皆高於30歲以上錄取者。

2024年度「技術類科」錄取者國立大學學歷占63.8%，私立大學占30.6%，「行政類科」錄取者國立大學佔53.7%，私立大學占35.3%。從學校名單來看，亦以國立大學為多，且是在該領域全國排名前面的學校。

技術類科的學校分布較為分散，總共有32間學校上榜，成功大學在5個技術類科皆榜上有名，國立中興大學則是5個類科中在4個類科排入前10名。衛生技術是醫學大學的天下，建築工程與土木工程則有多所科技大學上榜。

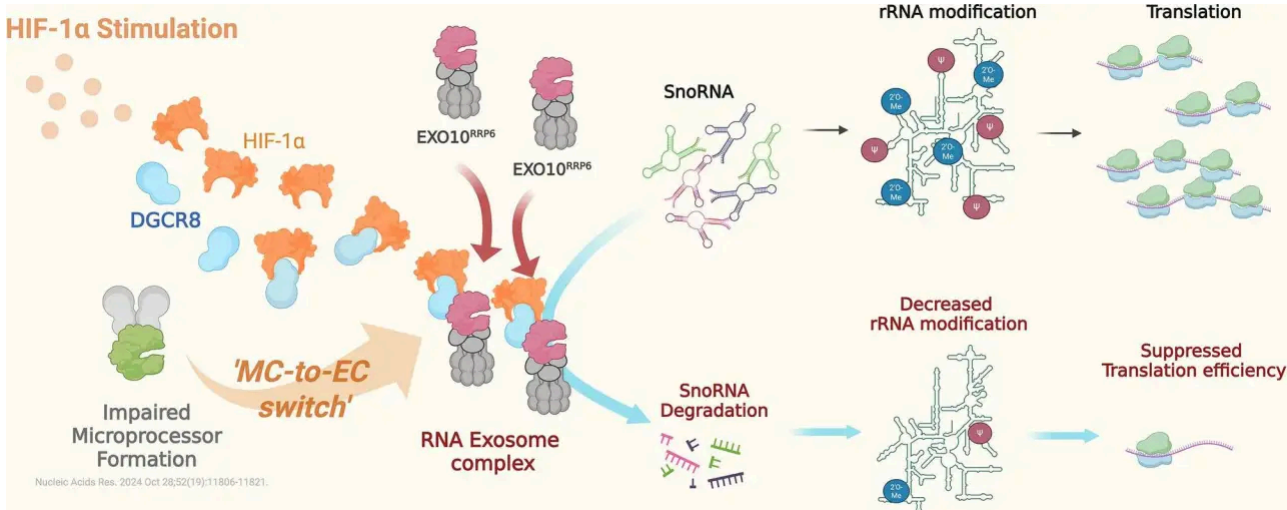
行政類科錄取者的前10大主要學校分屬於21間學校，較技術類科的分布集中，台北大學、政治大學在每個類科都排入前10名，甚至在一般行政、人事行政與地政雙雙占據前三名。

綜合

成大揭開缺氧適應新機制 核酸研究再登國際頂尖期刊

Posted By: TainanTalk 18 3 月, 2026 Comments Off!

〔記者鄭德政南市報導〕國立成功大學醫學檢驗生物技術學系陳百昇助理教授帶領的研究團隊，發現缺氧誘發因子HIF-1 α 除了擔任轉錄因子外，還能在細胞核內「重塑」RNA代謝路徑，揭示癌細胞在缺氧環境下調節基因表現與能量利用的一種全新適應策略。相關成果刊登於《核酸研究》(Nucleic Acids Research)。



(圖說) 成大醫學檢驗生物技術學系陳百昇老師帶領的研究團隊，最新研究發現缺氧誘發因子HIF-1 α 除擔任轉錄因子外，還可在細胞核內「重塑」RNA代謝路徑，進而影響核糖體RNA修飾與蛋白質生產效率，為理解腫瘤在缺氧與生長刺激下的適應策略提供新視角，成果刊登在國際頂尖期刊《核酸研究》(Nucleic Acids Research)。(成大提供)


微核糖核酸 (miRNA) 等RNA生物學相關的重要發現，近年多次獲得諾貝爾獎肯定，讓人類得以進一步探知細胞分子世界裡的奧秘，也對癌症治療等醫學發展帶來重大貢獻。成大醫學檢驗生物技術學系陳百昇老師帶領的研究團隊，繼2024年相關核酸研究登上國際頂尖期刊《核酸研究》

(Nucleic Acids Research) 後，最新研究成果發現缺氧誘發因子HIF-1 α 除擔任轉錄因子外，還可在細胞核內「重塑」RNA代謝路徑，進而影響核糖體RNA修飾與蛋白質生產效率，為理解腫瘤在缺氧與生長刺激下的適應策略提供新視角，近日再度登上該期刊。


[Article Navigation](#)

JOURNAL ARTICLE

A non-canonical role for HIF-1 α : redirecting DGCR8 to the RNA exosome for snoRNA degradation and translational modulation

Jie-Ning Li, Ming-Yang Wang, Chiao Lo, Laising Yen, Chien-Hung Yu, Yu-Jhen Lyu, Pai-Sheng Chen 

Nucleic Acids Research, Volume 54, Issue 3, 10 February 2026, gkag070, <https://doi.org/10.1093/nar/gkag070>

Published: 02 February 2026 **Article history** 

[PDF](#)[Views](#) [Cite](#)[Permissions](#)[Share](#) 

Abstract

The RNA exosome complex (EC) is a multi-protein complex responsible for RNA surveillance. Guided by specific adaptor factors, the EC recognizes RNA species as substrates for processing or degradation. Although its basic structure and components are documented, the regulatory mechanisms that enable this fundamental machinery to respond to biological signals remain unclear. Here, we

demonstrate that hypoxia-inducible factor 1-alpha

(HIF-1 α) binds to DNA to interact with the E2F1

Screenshot

(圖說) 成大醫學檢驗生物技術學系陳百昇老師帶領的研究團隊，最新成果再次刊登在國際頂尖期刊《核酸研究》(Nucleic Acids Research)。(成大提供)

人體由數十兆個細胞組成，每個細胞內更含有成千上萬種不同的分子。就像細胞之間需要交互作用一樣，細胞內的分子也必須透過即時的動態溝通，來維持細胞的生存優勢。對細胞而言，缺氧是一種壓力，同時也是一種刺激。尤其在實體腫瘤的生長過程中，缺氧環境一旦被癌細胞適應並突破生存瓶頸，疾病的進展往往就變得難以控制。



(圖說) 成大醫學檢驗生物技術學系陳百昇老師(左一)帶領的研究團隊，圖中右二為第一作者博士後研究員李婕寧。(成大提供)

該研究的第一作者李婕寧博士後研究員表示，缺氧狀態下的存活壓力，迫使癌細胞演化出一套複雜且精緻的適應機制。首先，缺氧誘發因子(HIF-1 α)會大量累積，並啟動下游成百上千個基因，藉此重塑細胞代謝、存活以及血管新生等重要路徑。在此同時，HIF-1 α 會阻斷微核糖核酸(miRNA)的生合成，使轉錄後的基因產物(mRNA)得以快速累積而不受抑制。乍看之下，這時細胞內的「蛋白質工廠」似乎應該高速啟動，開始大量生產蛋白質了吧？然而，研究團隊卻發現，HIF-1 α 竟然同時伸出另一隻手，啟動RNA外切體複合體(RNA exosome complex)的重新組裝，降解了蛋白質工廠中不可或缺的snoRNA，最終導致整體的蛋白質產線(轉譯作用)受到壓抑。這現象看起來不是很矛盾嗎？

陳百昇表示，這其實一點也不奇怪，反而是癌細胞極為聰明的保護機制。原來，相較於mRNA的製造(轉錄)，蛋白質的製造(轉譯)在運作時會消耗極大的能量。如果此時無差別地啟動細胞內所有蛋白質的大量產出，細胞將需要耗費數倍甚至數十倍於平常的能量。偏偏缺氧環境通常伴

隨著養分的匱乏，這時的能量就顯得無比珍貴。

如果將缺氧視為一場緊急狀況，整體蛋白質生產的降速，就像是高速公路上全面減速讓道的車輛；而應付緊急狀況的「救護車」，則搭載著缺氧誘發的關鍵基因，從路肩超車救急，精準產出應對缺氧所需的蛋白質。透過這套機制，癌細胞得以在逆境中，用最有效率的方式存活下來。原來，癌細胞也深諳《孫子兵法》中「善守者，藏於九地之下」的策略，透過極致的資源管控來度過缺氧危機。

陳百昇團隊一系列的突破性研究成果，從2018年發現HIF-1 α 如何以非轉錄方式抑制Dicer而促進癌轉移 (Journal of Clinical Investigation, 2018)，到2024年解開HIF-1 α 如何干擾微處理器組裝而影響miRNA核內成熟 (Nucleic Acids Research, 2024)；最新突破則是更進一步破解HIF-1 α 如何把DGCR8「改派」到RNA外切體，透過snoRNA-rRNA-蛋白質轉譯軸線，協助細胞在缺氧狀態下調節能量支出，為腫瘤如何適應環境壓力提供了關鍵的科學解答 (Nucleic Acids Research, 2026)。

至於接下來還有續集嗎？陳百昇笑著表示：「研究沒有終點，這套精密的細胞調控機制也還有許多未解之謎，但面對未知就是一種享受。然而，如果沒有研究資源的挹注，任何科學夢想都只能停留在夢裡，任何困難也只會變成無法跨越的門檻。」因此，研究團隊特別感謝國科會的長期經費挹注，以及來自成功大學、醫學檢驗生物技術學系、醫檢中心、生醫光學影像核心平台、中央研究院、台灣大學，以及美國貝勒醫學院 (Baylor College of Medicine) 等單位在核心設施及資源上的支持，讓台灣的頂尖研究成果得以持續在國際上受到關注與肯定。

成大表示，《核酸研究》(Nucleic Acids Research) 由英國牛津大學出版社 (Oxford University Press) 出版，為全球核酸領域的頂尖期刊。本研究對未來生物醫學的發展，尤其是疾病機轉以及藥物開發，奠定深厚的科學基礎。

論文連結：

A non-canonical role for HIF-1 α : redirecting DGCR8 to the RNA exosome for snoRNA degradation and translational modulation. (Nucleic Acids Research, 2026). doi: doi.org/10.1093/nar/gkag070. <https://academic.oup.com/nar/article/54/3/gkag070/8454530>

系列研究延伸閱讀：

2018 年研究： HIF-1 α promotes autophagic proteolysis of Dicer and enhances tumor metastasis (Journal of Clinical Investigation, 2018). doi: 10.1172/JCI89212. <https://www.jci.org/articles/view/89212>

2024 年研究： A transcription-independent role for HIF-1 α in modulating microprocessor assembly (Nucleic Acids Research, 2024). doi: 10.1093/nar/gkae792. <https://academic.oup.com/nar/article/52/19/11806/7774872>

核酸研究登國際期刊 成大破解癌細胞缺氧調控機制

2026-03-18 健康



成大醫學檢驗生物技術學系助理教授陳百昇（左1）帶領的研究團隊，最新成果再次刊登在國際頂尖期刊《核酸研究》。右2為第一作者博士後研究員李婕寧。（成大提供）

記者林怡孜/台南報導

成大醫學檢驗生物技術學系助理教授陳百昇領軍的研究團隊，最新揭示缺氧誘發因子HIF-1 α 除傳統轉錄功能外，還具有「重塑RNA代謝路徑」的非典型角色，為癌細胞在缺氧環境中的生存策略提供嶄新解釋。研究成果刊登於國際頂尖期刊《核酸研究》。

人體由數十兆個細胞組成，每個細胞內更含有成千上萬種不同的分子，必須透過即時的動態溝通維持細胞的生存優勢。對細胞而言，缺氧是一種壓力，同時也是一種刺激；尤其在實體腫瘤的生長過程中，缺氧環境一旦被癌細胞適應並突破生存瓶頸，疾病的進展往往就變得難以控制。當細胞處於缺氧狀態時，HIF-1 α 會大量累積並啟動多項關鍵基因，協助細胞調整代謝與生存機制。

團隊發現，HIF-1 α 不僅影響基因轉錄，同時也會重新導引RNA外切體複合體運作，促使snoRNA降解，抑制蛋白質的整體生成。此一機制看似與細胞「提高生產」的需求相矛盾，實際上卻是一種高度精密的節能策略。研究團隊指出，蛋白質轉譯過程需耗費大量能量，在缺氧且資源有限的環境下，細胞透過降低整體蛋白質生成，僅保留關鍵蛋白的表現，得以有效分配能量、維持生存優勢。

第一作者博士後研究員李婕寧表示，這項發現揭示癌細胞如何在逆境中透過多層次調控，精準調整基因表現與能量使用。陳百昇形容這如同在緊急狀況下「全面降速、優先通行」的策略，讓細胞在有限資源中仍能維持運作。

該研究團隊近年持續在HIF-1 α 研究領域深耕，2018年發現其透過非轉錄機制促進癌轉移，2024年解析其干擾miRNA生成機制，如今進一步揭開RNA外切體調控與蛋白質轉譯之間的關聯，逐步建構完整的缺氧調控藍圖。

成大醫院亮相拉斯維加斯 HIMSS Global Conference & Exhibition 展現智慧醫療整合與臨床創新實力

[cnma.org.tw/page/news/show.aspx](https://www.cnma.org.tw/page/news/show.aspx)

CNMA新聞聯合網

March 17, 2026

記者黃冠源/台南報導 全球健康資訊科技重要盛會——2026 HIMSS Global Conference & Exhibition 醫療資訊與管理系統學會暨展覽於美國拉斯維加斯舉行，成大醫院李經維院長率團參與，呈現智慧醫療創新成果與臨床應用實力，展示醫療科技整合的發展能量。



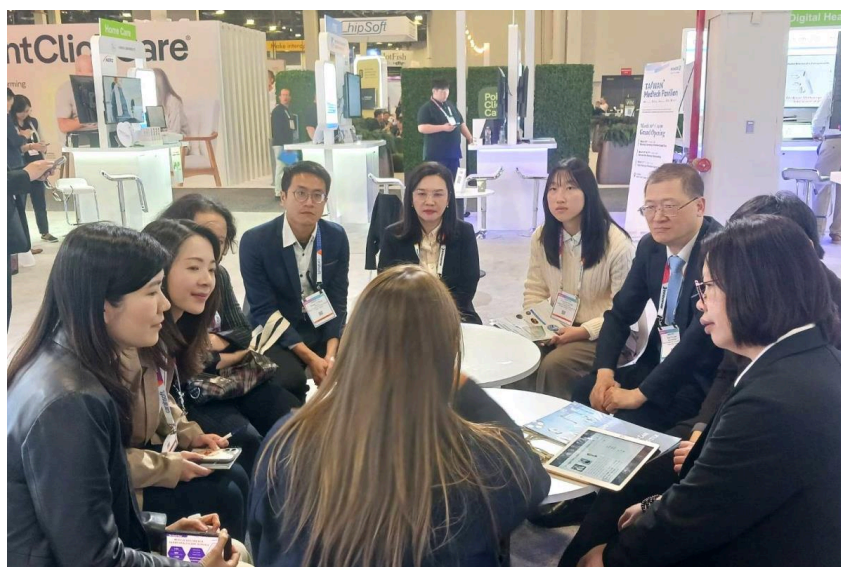
本次參展主軸聚焦「智慧自我評估與AI遠距照護應用」，呈現成大醫院結合臨床專業、人工智慧與健康科技的創新實踐，體現以病人為中心、以數據為基礎的智慧照護模式。其中，「AI智慧照護解決方案」整合QOCA apc照護包，透過即時生理數據監測、雲端資料整合與智慧警示機制，支援中風及安寧病人之居家遠距照護。系統可協助醫療團隊即時掌握病況，強化風險預警與照護連續性，提升整體

照護效率與品質，實踐醫院與社區之間的照護串聯。




成大醫院咀嚼吞嚥中心與成功大學資訊工程團隊共同研發「AI輔助吞嚥功能評估工具」，運用頸部聽診之吞嚥聲音分析，建立非侵入式智慧評估模式，可於社區及居家環境進行自我檢測與長期追蹤，展現智慧醫療於預防與臨床延伸照護上的應用潛力。

李經維院長表示，醫療的核心在於患者健康與整體福祉，智慧醫療不僅是科技升級，更是醫療服務模式的進化。成大醫院結合學術研究、臨床實務與創新科技能量，持續深化智慧照護發展，同時積極與國際專業團人才交流，拓展合作機會。



成大醫院將持續優化智慧服務、提升醫療品質，深化跨領域整合與國際合作，落實創新科技應用，推動台灣智慧醫療之發展性與影響力。

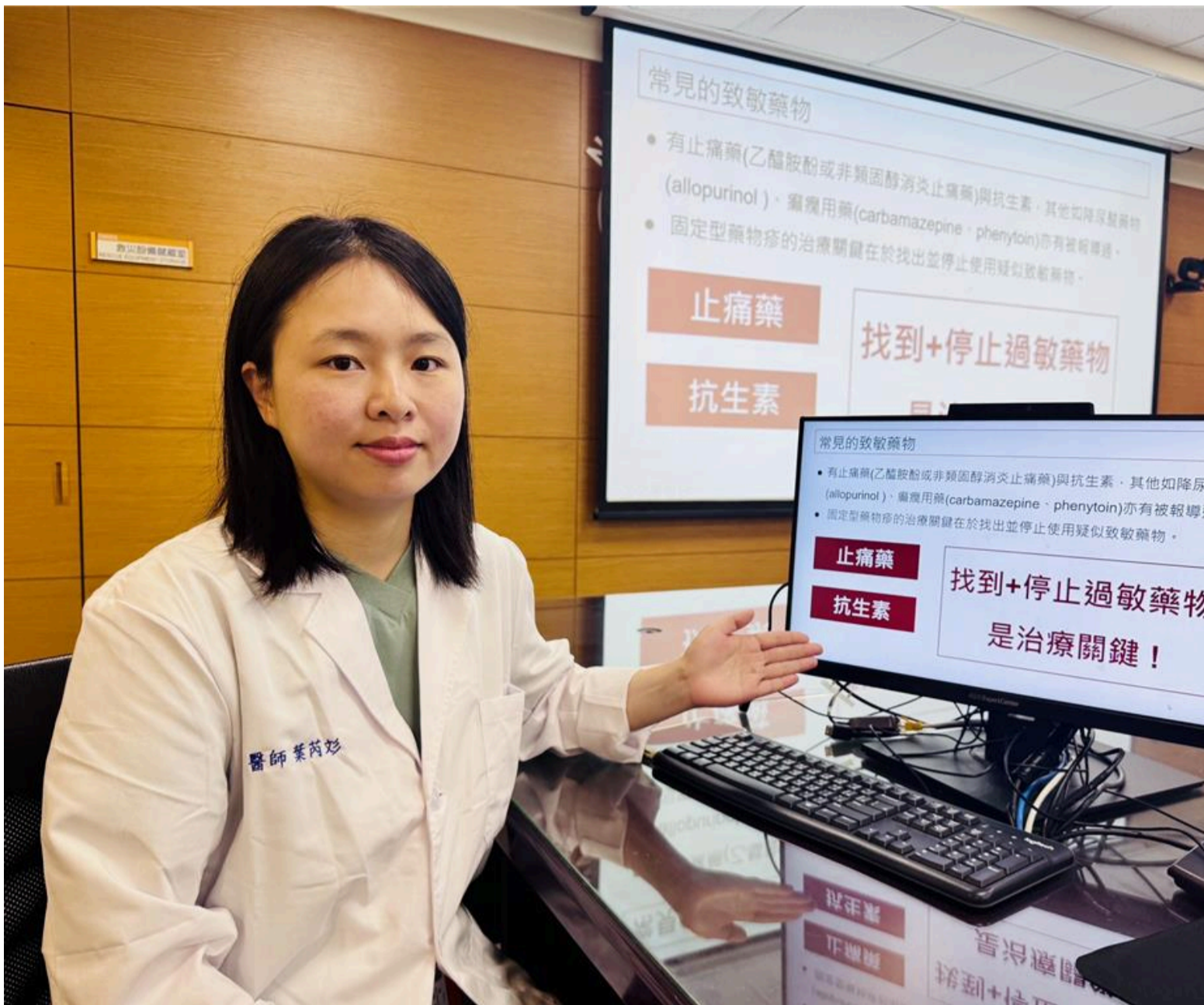
吃止痛藥手腳、生殖器冒水泡 20歲男嚇壞 醫曝病因

13:55 2026/03/18 | 中時 | 曹婷婷 | 

年輕男止痛藥吃一週，手腳、生殖器驚現紅疹變水泡。(示意圖：shutterstock / 達志)

20歲吳先生因右腳扭傷至藥局購買止痛藥，服藥1周多，手腳肢端與生殖器陸續出現癢痛圓形紅疹，後續又因感冒就醫，僅服藥1天，相同部位再現紅疹，且紅疹惡化為水泡。吳男至成大醫院就診，經醫師詳細詢問用藥史並進行皮膚切片檢查，確診為「固定型藥物疹」。

成大醫院皮膚部葉芮彤醫師表示，固定型藥物疹 (Fixed Drug Eruption) 是一種特殊藥物過敏反應，特點為初次接觸致敏藥物後，通常1至2周內出現皮疹；若再次服用相同藥物，免疫系統會迅速反應，數小時至數天內於原發作部位誘發皮疹。



葉芮苙提醒，一旦確認藥物過敏資訊，建議註記於健保卡與病歷系統，後續就醫主動提供完整用藥史，避免再次誘發皮膚過敏反應。(成大醫院提供 / 曹婷婷台南傳真)

她提到，臨床上多呈現界線分明的紅色圓形斑塊，病灶中心可能顏色較深，甚至出現水泡或破損，停藥後多可於1至2周內逐漸改善，但通常會留下明顯的色素沉澱。

葉芮苙指出，固定型藥物疹病灶常見於口腔、生殖器周圍、臉部或四肢末端等部位，嚴重時可能演變為「廣泛性水泡固定型藥物疹」，需特別留意並及早處理。常見致敏藥物包括止痛藥(如乙醯胺酚或非類固醇消炎止痛藥)與抗生素，其他如降尿酸藥物(allopurinol)、癲癇用藥(carbamazepine、phenytoin)也曾被列於誘發反應的研究報告。

他舉吳先生為例，致敏原可能為兩次病程中的止痛藥成分，停用疑似致敏藥物並接受口服類固醇治療與傷口照護，皮膚病灶逐漸改善，未再出現新的發炎反應。她說，臨床上會先評估患者近期用藥情形，找出可能引發過敏反應的藥物並停用，是控制病灶持續惡化重要原則。

此外，同時服用多種藥物下，傳統檢測過敏原的「貼膚測試(patch test)」，準確性可能受限，在停用類固醇後，可抽血進行「體外淋巴球藥物活化試驗(lymphocyte transformation test)」以輔助判斷。葉芮苙提醒，一旦確認藥物過敏資訊，建議註記於健保卡與病歷系統，後續就醫主動提供完整用藥史，避免再次誘發皮膚過敏反應。

新聞內容

→成大醫學檢驗生物技術學系助理教授陳百昇（左1）帶領的研究團隊，最新成果再次刊登在國際頂尖期刊《核酸研究》。右2為第一作者博士後研究員李婕寧。（成大提供）



核酸研究登國際期刊

成大破解癌細胞缺氧調控機制

記者林怡孜／台南報導
成大醫學檢驗生物技術學系助理教授陳百昇領軍的研究團隊，最新揭示缺氧誘發因子HIF-1 α 除傳統轉錄功能外，還具有「重塑RNA代謝路徑」的非典型角色，為癌細胞在缺氧環境中的生存策略提供嶄新解釋。研究成果刊登於國際頂尖期刊《核酸研究》。

人體由數十兆個細胞組成，每個細胞內更含有成千上萬種不同的分子，必須透過即時的動態溝通維

持細胞的生存優勢。對細胞而言，缺氧是一種壓力，同時也是一種刺激；尤其在實體腫瘤的生長過程中，缺氧環境一旦被癌細胞適應並突破生存瓶頸，疾病的進展往往就變得難以控制。當細胞處於缺氧狀態時，HIF-1 α 會大量累積並啟動多項關鍵基因，協助細胞調整代謝與生存機制。

團隊發現，HIF-1 α 不僅影響基因轉錄，同時也會重新導引RNA外切體複合體運作，促使snoRNA降解，

抑制蛋白質的整體生成。此一機制看似與細胞「提高生產」的需求相矛盾，實際上卻是一種高度精密的節能策略。研究團隊指出，蛋白質轉譯過程需耗費大量能量，在缺氧且資源有限的環境下，細胞透過降低整體蛋白質生成，僅保留關鍵蛋白的表現，得以有效分配能量、維持生存優勢。

第一作者博士後研究員李婕寧表示，這項發現揭示癌細胞如何在逆境中透過多層次調控，精準調整

基因表現與能量使用。陳百昇形容這如同在緊急狀況下「全面降速、優先通行」的策略，讓細胞在有限資源中仍能維持運作。

該研究團隊近年持續在HIF-1 α 研究領域深耕，2018年發現其透過非轉錄機制促進癌轉移，2024年解析其干擾miRNA生成機制，如今進一步揭開RNA外切體調控與蛋白質轉譯之間的關聯，逐步建構完整的缺氧調控藍圖。